

No active tri:

Select CR

DELPHION**RESEARCH****PRODUCTS****INSIDE DELPHION**[Log Out](#) [Work Files](#) [Saved Searches](#)

My Account

Search: Quick/Number Boolean Advanced Der

[Email](#)**Derwent Record**View: [Expand Details](#) Go to: [Delphion Integrated View](#)

Tools: Add to Work File: Create new Work

Derwent Title: **New methyl ketone-functionalized nucleotide compounds, used in the preparation of optionally labeled functionalized polynucleotides useful in detecting target nucleic acids**

Original Title: **WO0040590A2: FUNCTIONALISED POLYNUCLEOTIDE COMPOUND, OPTIONALLY MARKED AND METHOD FOR DETECTING A TARGET NUCLEIC ACID**

Assignee: **BIO MERIEUX** Standard company
Other publications from [BIO MERIEUX \(INMR\)](#)...

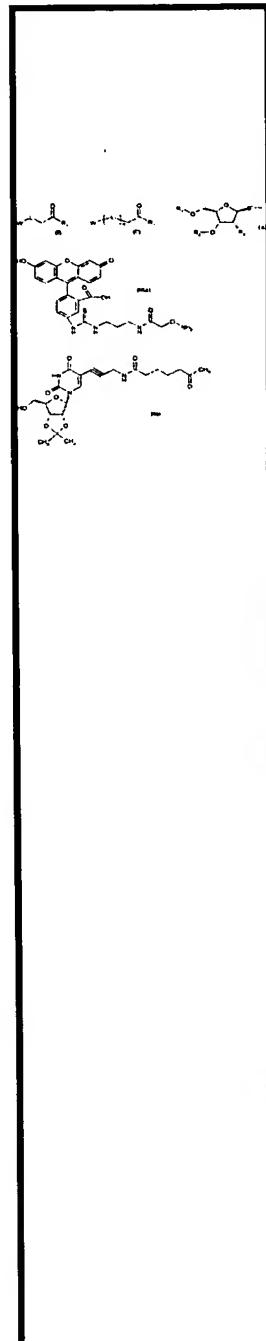
Inventor: **DEFRANC E; DEFRACTCQ E; LAAYOUN A; LHOMME J; TREVISIOL E;**

Accession/
Update: **2000-475815 / 200621**

IPC Code: **C07H 19/00 ; C07H 19/04 ; C07H 19/10 ; C07H 19/20 ;
C07H 21/00 ; C12P 19/00 ; C12P 19/34 ; C12Q 1/68 ;**

Derwent Classes: **B04; D16; B05;**

Manual Codes: **B04-B03B(Nucleotides) , D05-H09(Testing and detection [exc. bacteria, fungi, viruses]) , D05-H18B(DNA amplification method)**



Derwent
Abstract:

(WO0040590A) Novelty - Methyl ketone-functionalized nucleotide compounds (I) are new.

Detailed Description - Nucleotide compounds of formula (I) are new.

W = nucleotide analog;

L = linking group containing at least 4 atoms;

R1 = alkyl.

INDEPENDENT CLAIMS are also included for the following:

(1) functionalized polynucleotides (II) containing at least one residue of a compound (I); and

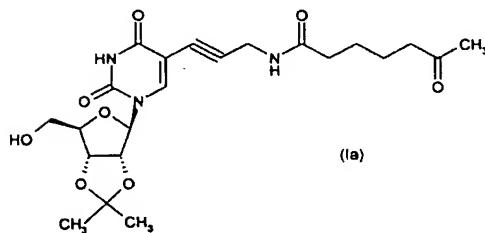
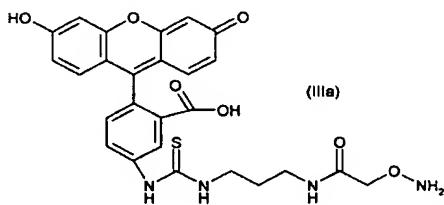
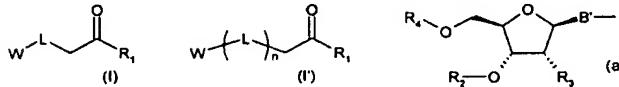
(2) labeled functionalized polynucleotides (II') containing at least one residue of a compound of formula (I'), the alkyl ketone residue of which has been reacted with a labeling reagent (III).

n = 0 or 1.

Use - (I) are intermediates for (II)/(II'), which are used in the detection of a target nucleic acid (NA), e.g. in sequencing or diagnostic applications. Detecting a target NA involves contacting NA with (I'), in an unlabeled form, to give a functionalized polynucleotide, preferably produced by enzymatic amplification reaction, reacting with (III) and detecting the labeled product. The detection method may comprise contacting NA with (II), reacting with (III) and detecting NA, or contacting NA with (II') and detecting NA. (All claimed).

Advantage - Compared with prior art functionalized nucleotide derivatives, (I) are more easily prepared, have superior neutrality towards enzymatic and chemical reactions for preparing (II) and/or are more easily labeled. By functionalization of (I), the properties of (II)/(II') can be adjusted for specific applications, e.g. to provide easier hybridization with NA and higher resistance to nucleases.

Images:



Dwg.0/1

Family: [PDF](#) [Patent](#)

Pub. Date

[WO0040590A2](#) *

2000-07-13

Des. States: (N) AE AL AM AT AU AZ BA BB BG BR BY CA CH CN CR CU CZ DE DK DM EE ES FI G (R) AT BE CH CY DE DK EA ES FI FR GB GH GM GR IE IT KE LS LU MC MW NL OA P-

Local appls.: [WO2000FR0000011](#) Filed:2000-01-05 (2000WO-FR00011)

[DE60014028T2](#) =

2006-03-02

Local appls.: Based on EP01140963 (EP 1140963)
 Based on WO00040590 (WO 200040590)
EP2000000900527 Filed:2000-01-05 (2000EP-0900527)
WO2000FR0000011 Filed:2000-01-05 (2000WO-FR00011)
DE2000000614028 Filed:2000-01-05 (2000DE-0614028)

US6875858 = 2005-04-05

Local appls.: Based on WO00040590 (WO 200040590)
US2001000869796 Filed:2001-09-19 (2001US-0869796)
WO2000FR0000011 Filed:2000-01-05 (2000WO-FR00011)

DE60014028E = 2004-10-28

Local appls.: Based on WO00040590 (WO 200040590)
 Based on EP01140963 (EP 1140963)
DE2000000614028 Filed:2000-01-05 (2000DE-0614028)
WO2000FR0000011 Filed:2000-01-05 (2000WO-FR00011)
EP2000000900527 Filed:2000-01-05 (2000EP-0900527)

EP1140963B1 = 2004-09-22

Des. States: (R) AT BE CH CY DE DK ES FI FR GB GR IE IT LI LU MC NL PT SE

Local appls.: Based on WO00040590 (WO 200040590)
EP2000000900527 Filed:2000-01-05 (2000EP-0900527)
WO2000FR0000011 Filed:2000-01-05 (2000WO-FR00011)

EP1140963A2 = 2001-10-10

Des. States: (R) AL AT BE CH CY DE DK ES FI FR GB GR IE IT LI LT LU LV MC MK NL PT RO SE SI

Local appls.: Based on WO00040590 (WO 200040590)
EP2000000900527 Filed:2000-01-05 (2000EP-0900527)
WO2000FR0000011 Filed:2000-01-05 (2000WO-FR00011)

AU0030508A = 2000-07-24

Local appls.: Based on WO00040590 (WO 200040590)
AU200000030508 Filed:2000-01-05 (2000AU-0030508)

INPADOC [Show legal status actions](#)

Legal Status:

First Claim: [Show all claims](#)

Priority Number:

Application Number	Filed	Original Title
FR199900000111	1999-01-05	

Related Accessions:

Accession Number	Type	Derwent Update	Derwent Title
C2000-142655	C		
1 item found			

Title Terms: NEW METHYL KETONE FUNCTION NUCLEOTIDE COMPOUND PREPARATION
 OPTION LABEL FUNCTION USEFUL DETECT TARGET NUCLEIC ACID

[Pricing](#) [Current charges](#)

Derwent Searches: [Boolean](#) | [Accession/Number](#) | [Advanced](#)

Data copyright Thomson Derwent 2003

THOMSON

Copyright © 1997-2006 The Thor
[Subscriptions](#) | [Web Seminars](#) | [Privacy](#) | [Terms & Conditions](#) | [Site Map](#) | [Contact Us](#)



(51) Classification internationale des brevets ⁷ : C07H 19/10, 19/20, 21/00, C12Q 1/68, C12P 19/34		A2	(11) Numéro de publication internationale: WO 00/40590
(21) Numéro de la demande internationale: PCT/FR00/00011	(43) Date de publication internationale: 13 juillet 2000 (13.07.00)		
(22) Date de dépôt international: 5 janvier 2000 (05.01.00)			
(30) Données relatives à la priorité: 99/00111 5 janvier 1999 (05.01.99)	FR		
(71) Déposant (<i>pour tous les Etats désignés sauf US</i>): BIO MERIEUX [FR/FR]; Chemin de l'Orme, F-69280 Marcy l'Etoile (FR).		(81) Etats désignés: AE, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, CA, CH, CN, CR, CU, CZ, DE, DK, DM, EE, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ZA, ZW, brevet ARIPO (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZW), brevet eurasien (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), brevet européen (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), brevet OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).	
(72) Inventeurs; et			
(75) Inventeurs/Déposants (<i>US seulement</i>): DEFRACT, Eric [FR/FR]; Grande Rue, F-38570 Concelin (FR). LAAYOUN, Ali [FR/FR]; 1, rue du Rhône, F-69007 Lyon (FR). LHOMME, Jean [FR/FR]; 13, rue des Brandons, F-38240 Meylan (FR). TREVISIOL, Emmanuelle [FR/FR]; 15, boulevard du Maréchal Joffre, F-38000 Grenoble (FR).			
(74) Mandataire: CABINET GERMAIN & MAUREAU; Boite postale 6153, F-69466 Lyon Cedex 06 (FR).			
(54) Title: FUNCTIONALISED POLYNUCLEOTIDE COMPOUND, OPTIONALLY MARKED AND METHOD FOR DETECTING A TARGET NUCLEIC ACID		Publiée	<i>Sans rapport de recherche internationale, sera republiée dès réception de ce rapport.</i>
(54) Titre: COMPOSE FONCTIONNALISE, POLYNUCLEOTIDE EVENTUELLEMENT MARQUE ET PROCEDE DE DETECTION D'UN ACIDE NUCLEIQUE CIBLE			
$W—L—\text{CH}_2\overset{\text{O}}{\underset{\text{ }}{\text{C}}}R_1 \quad (\text{I})$			
(57) Abstract			
<p>The invention concerns a functionalised compound of general formula (I) wherein: W represents a nucleotide analog; L represents a binding group comprising at least four atoms; R₁ represents a linear or branched alkyl chain. The invention also concerns one said functionalised polynucleotide, one marked polynucleotide, including at least a functionalised compound corresponding to formula (I'). The invention further concerns a method for detecting a target nucleic acid using one said compound.</p>			
(57) Abrégé			
<p>L'invention concerne un composé fonctionnalisé de formule générale (I): dans laquelle W représente un analogue nucléotidique, L représente un bras de liaison comportant au moins quatre atomes, R₁ représente une chaîne alkyle, linéaire ou ramifiée, un polynucléotide fonctionnalisé, comprenant au moins undit composé, un polynucléotide fonctionnalisé, marqué, comprenant au moins un composé fonctionnalisé répondant à la formule (I'). Il est décrit un procédé de détection d'un acide nucléique cible utilisant undit composé.</p>			

UNIQUEMENT A TITRE D'INFORMATION

Codes utilisés pour identifier les Etats parties au PCT, sur les pages de couverture des brochures publiant des demandes internationales en vertu du PCT.

AL	Albanie	ES	Espagne	LS	Lesotho	SI	Slovénie
AM	Arménie	FI	Finlande	LT	Lituanie	SK	Slovaquie
AT	Autriche	FR	France	LU	Luxembourg	SN	Sénégal
AU	Australie	GA	Gabon	LV	Lettonie	SZ	Swaziland
AZ	Azerbaïdjan	GB	Royaume-Uni	MC	Monaco	TD	Tchad
BA	Bosnie-Herzégovine	GE	Géorgie	MD	République de Moldova	TG	Togo
BB	Barbade	GH	Ghana	MG	Madagascar	TJ	Tadjikistan
BE	Belgique	GN	Guinée	MK	Ex-République yougoslave de Macédoine	TM	Turkménistan
BF	Burkina Faso	GR	Grèce	ML	Mali	TR	Turquie
BG	Bulgarie	HU	Hongrie	MN	Mongolie	TT	Trinité-et-Tobago
BJ	Bénin	IE	Irlande	MR	Mauritanie	UA	Ukraine
BR	Brésil	IL	Israël	MW	Malawi	UG	Ouganda
BY	Bélarus	IS	Islande	MX	Mexique	US	Etats-Unis d'Amérique
CA	Canada	IT	Italie	NE	Niger	UZ	Ouzbékistan
CF	République centrafricaine	JP	Japon	NL	Pays-Bas	VN	Viet Nam
CG	Congo	KE	Kenya	NO	Norvège	YU	Yougoslavie
CH	Suisse	KG	Kirghizistan	NZ	Nouvelle-Zélande	ZW	Zimbabwe
CI	Côte d'Ivoire	KP	République populaire démocratique de Corée	PL	Pologne		
CM	Cameroun	KR	République de Corée	PT	Portugal		
CN	Chine	KZ	Kazakhstan	RO	Roumanie		
CU	Cuba	LC	Sainte-Lucie	RU	Fédération de Russie		
CZ	République tchèque	LI	Liechtenstein	SD	Soudan		
DE	Allemagne	LK	Sri Lanka	SE	Suède		
DK	Danemark	LR	Libéria	SG	Singapour		
EE	Estonie						

**COMPOSE FONCTIONNALISE, POLYNUCLEOTIDE EVENTUELLEMENT
MARQUE ET PROCEDE DE DETECTION D'UN ACIDE NUCLEIQUE CIBLE**

La présente invention concerne un nouveau composé
5 nucléosidique ou nucléotidique, fonctionnalisé par un
groupement alkylcétone, un polynucléotide comprenant au
moins une unité nucléotidique fonctionnalisée par un
groupement alkylcétone, avant et après marquage, ainsi que
la mise en oeuvre et les applications de ces produits
10 notamment pour la détection de séquences d'acide
nucléique.

Dans le domaine des acides nucléiques, la synthèse
de nucléotides fonctionnalisés a été décrite notamment
dans le domaine du diagnostic et plus particulièrement
15 pour la préparation de sondes nucléiques marquées
utilisables pour la détection d'un acide nucléique cible.

Deux types de problèmes principaux se posent pour
l'obtention de ces sondes. Dans un premier temps, le
nucléotide fonctionnalisé doit être incorporé dans un
20 polynucléotide. Ensuite, la fonction portée par le
nucléotide doit pouvoir réagir sur un traceur de manière
spécifique et efficace pour l'utilisation du
polynucléotide comme sonde de détection.

Ainsi, le brevet EP-A-0 407 816 décrit des dérivés
25 de l'uracile modifiés en position 5 pour la fabrication de
sondes par voie chimique ou enzymatique. Toujours dans le
même but, les brevets WO-A-86/06726 et EP-A-0 212 951
décrivent des dérivés de la cytosine modifiés en position
4. Le brevet EP-A-0 254 646 décrit un dérivé d'adénosine
30 modifié en position 8.

Le brevet WO-A-92/00989 décrit une application
particulière de nucléotides modifiés pour l'introduction
de protéines sur un polynucléotide.

La demande de brevet WO-A-98/05766 de la demanderesse pose le problème de l'incorporation de nucléotides fonctionnalisés pouvant être incorporés par réaction enzymatique et notamment par les techniques 5 d'amplification enzymatique, non plus pour la préparation de sondes marquées, mais directement pour générer une cible marquée. Dans ce cas, le besoin en sensibilité est plus important et le choix du nucléotide fonctionnalisé est crucial pour obtenir la sensibilité adéquate.

10 Un certain nombre de fonctions nucléophiles comme les fonctions amine et alcoxyamine, ou électrophiles comme la fonction aldéhyde sont décrites, qui permettent une incorporation efficace du nucléotide fonctionnalisé au cours de l'amplification, mais il subsiste néanmoins un 15 besoin de nucléotide fonctionnalisé encore plus efficace, notamment en terme de facilité de préparation, en terme de neutralité vis à vis des réactions enzymatiques ou chimiques et en terme de réactivité pour le marquage de ce nucléotide par un traceur après incorporation.

20 Il a été trouvé par la demanderesse que la fonction alkylcétone répondait de manière surprenante aux inconvénients précités.

En effet, si l'art antérieur décrit l'utilisation de motifs R-CO- où R est un groupement alkyle dans le cas 25 de la synthèse d'oligonucléotides (WO-A-93/22326), le but de cette fonction est de protéger l'amine exocyclique des bases. A la fin de la synthèse, l'amine est déprotégée par action d'un agent alcalin.

A titre d'illustration de cet état de la 30 technique, on peut citer les documents suivants. L'article de K.K. Ogilvie et M.J. Nemer, *Tetrahedron Letters*, vol. 21, (1980) pages 4145-4148, divulgue, en tant

qu'intermédiaire de synthèse d'un nucléotide, un composé nucléotidique porteur d'un groupement lévulinoyle fixé sur la fonction hydroxylée en 3' du pentose. L'introduction de ce groupement a pour but de protéger la fonction OH, et 5 est ensuite aussitôt retirée après obtention dudit composé. L'article de C.T.J. Wreesmann et al., Nucleic Acids Research, vol. 11, N°23, (1983) pages 8389-8405, décrit l'obtention d'un intermédiaire dinucléotidique de synthèse dont les fonctions hydroxyle sont protégées par 10 le groupement lévulinoyle. En présence d'ammoniaque, les fonctions hydroxyle sont libérées.

La fonction alkylcétone telle que définie dans la présente invention est suffisamment stable pour résister à ce type de traitement, ne représente donc pas un 15 groupement protecteur et sa stabilité par rapport aux différentes méthodes de synthèse chimique a pour conséquence une facilité plus grande de préparation notamment par rapport à des fonctions amines, aldéhydes ou alcoxyamines comme décrit dans le brevet WO-A-98/05766.

20 De même dans les brevets cités précédemment (EP-A-0 407 816, WO-A-86/06726, EP-A-0 212 951, EP-A-0 254 646 et WO-A-92/00989) les fonctions décrites pour fonctionnaliser les nucléotides sont choisies parmi les fonctions réactives du point de vue chimique comme les fonctions 25 amine et thiol éventuellement protégées. Si ces fonctions sont protégées, une étape de déprotection est nécessaire, ce qui complique l'étape de marquage. Si ces fonctions sont libres, une inhibition de la réaction enzymatique ou des réactions secondaires dans le cas de la synthèse 30 chimique peuvent se produire.

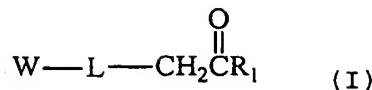
Cette stabilité chimique de la fonction alkylcétone ne devrait pas en faire un bon candidat pour

une réaction de couplage sur un marqueur et pourtant la présente invention démontre que, de manière surprenante, cette fonction est réactive pour le marquage et que, de plus, la détection du produit après marquage est très 5 sensible.

Enfin, les nucléotides portant cette fonction présentent une neutralité excellente vis à vis des réactions enzymatiques puisque il est possible de remplacer complètement un nucléotide naturel par un 10 nucléotide portant cette fonction alkylcétone dans une réaction enzymatique sans affecter le rendement de cette réaction et plus surprenant encore en l'améliorant dans certains cas.

Le document WO-A-95/24185 décrit un nucléoside 15 modifié par un groupement alkylcétone dont la partie alkyle peut comporter jusqu'à 20 atomes de carbone. Ce composé est notamment destiné à la synthèse d'oligonucléotides, qui trouvent une application en thérapie, dans le diagnostic. L'introduction d'un 20 groupement, notamment alkylcétone, sur le noyau pyrimidique du nucléoside décrit n'a pas vocation à fonctionnalisation en vue d'une réaction ultérieure dudit groupement, mais a pour but d'obtenir des analogues 25 d'oligonucléotides qui présentent, par rapport aux oligonucléotides naturels, des propriétés intéressantes aux fins de leurs utilisations, telles qu'une plus grande facilité d'hybridation avec un acide nucléique cible, une plus grande résistance aux nucléases.

C'est l'objet de la présente invention de décrire 30 un nouveau composé fonctionnalisé comportant une fonction alkylcétone et de formule (I) ci-dessous :



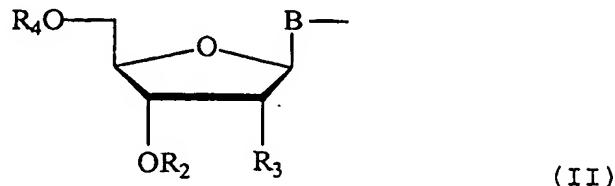
dans laquelle

- W représente un analogue nucléotidique ;
 5 - L représente un bras de liaison entre W et le
 groupe alkylcétone, comportant au moins quatre atomes,
 avantageusement au moins huit atomes ; L est notamment
 choisi parmi les chaînes hydrocarbonées saturées ou
 insaturées, éventuellement interrompues par au moins une
 10 fonction amine, amide ou oxy ; de préférence, le bras de
 liaison comporte un enchaînement de 8 à 30 atomes ; en
 particulier, le bras de liaison comporte de 8 à 20 atomes
 dont au moins une fonction amide ;

- R₁ représente une chaîne alkyle, linéaire ou
 15 ramifiée, de préférence une chaîne alkyle ayant au plus 6
 carbones ; avantageusement R₁ est un groupement méthyle.

Par analogue nucléotidique, on entend un
 nucléoside ou un nucléotide, un nucléoside ou un
 nucléotide portant une ou plusieurs modifications sur un
 20 des éléments constitutifs dudit nucléoside ou nucléotide
 comme une modification du sucre désoxyribose ou ribose
 comme le xylose, l'arabinose, les sucres de configuration
 alpha (FR 2 607 507), les PNA (M. Egholm et al., J. Am.
 Chem. Soc., (1992), 114, 1895-1897), les analogues de
 25 sucre comme le 4'-thio ribose ou désoxyribose, les sucres
 de configurations D ou L ; une modification de la base
 azotée ; une modification du phosphate ou de son
 équivalent pour les nucléotides ainsi que l'ensemble des
 groupements protecteurs utilisés dans la synthèse
 30 chimique.

Avantageusement, le composé répond à la formule (I) dans laquelle W a la formule générale (II) :



5

dans laquelle :

- R₂ représente H ou un groupement protecteur ;
- R₃ représente H, F, OH, SH, NH₂, OCH₃, ou OR₅ où R₅ représente un groupement protecteur ou une chaîne alkyle ;
- 10 - R₄ représente un radical H, un groupement protecteur ou un groupement mono, di ou triphosphate ;
- B représente une base azotée,
- W étant lié à L par l'intermédiaire de B.

La base azotée est choisie notamment parmi les purines ou pyrimidines comme l'adénine, la guanine, l'uracile, la cytosine, la thymine ou toute autre base modifiée permettant l'hybridation comme les bases modifiées naturelles (telles que la 6-céto-purine, la xanthine, la 5-méthyl-cytosine, la 2-amino-purine) ou non naturelles (telles que la thioguanine ou la 8-oxo-guanine, déazapurine, azapurine), ou des analogues de bases comme les bases universelles (telles que les dérivés nébularine, nitroindole ou nitropyrrole). Certaines fonctions des bases susceptibles d'interférer avec les stratégies de synthèse chimique en phase solide ou liquide peuvent être protégées par des groupements protecteurs appropriés.

Préférentiellement, la base azotée est l'adénine, l'uracile, la cytosine.

Le bras de liaison L est greffé sur une position quelconque de la base azotée ou de son analogue. De préférence le bras de liaison sera greffé sur une position ne perturbant pas l'hybridation. En particulier, le bras de liaison sera fixé sur l'amine en position 4 de la cytosine, la position 5 de l'uracile ou l'amine en position 6 de l'adénine.

Par groupement protecteur, on entend les groupements utilisés de manière classique dans la synthèse chimique de nucléosides, nucléotides et oligonucléotides (voir par exemple Chemistry of Nucleosides and Nucleotides, Edited by Leroy B. Townsend, Plenum Press, New York and London et Protocols for Oligonucleotides and Analogs, Synthesis and Properties, Edited by S. Agrawal, Humana Press, Totowa, New Jersey). De préférence dans le cas de la synthèse chimique, R₄ est un groupement 4,4'-diméthoxy trityle et R₂ est un groupement 2-cyanoéthyl-N,N-diisopropylphosphoramidite et R₃ est H ou OR₅, où R₅ est un groupement protecteur utilisé en synthèse d'oligoribonucléotide.

De préférence, dans le cas de la synthèse enzymatique, R₄ est un groupement triphosphate, R₂ est H et R₃ est OH.

Les groupements phosphate sont généralement sous forme de sels, et particulièrement des sels de lithium, de sodium, ou de triéthylammonium acétate.

L'invention concerne aussi un polynucléotide fonctionnalisé comprenant au moins un nucléotide fonctionnalisé tel que défini précédemment. Il peut être synthétisé par réaction chimique et/ou enzymatique. Dans le cas d'une synthèse par réaction enzymatique et notamment dans le cas d'une amplification enzymatique, la

neutralité du nucléotide fonctionnalisé vis à vis des réactions enzymatiques permet l'incorporation de plusieurs nucléotides fonctionnalisés.

Par réaction enzymatique, on inclut toutes les 5 réactions au cours desquelles intervient au moins une enzyme dont l'activité est liée à un nucléotide. Ainsi on entend toutes réactions comprenant au moins une étape enzymatique dans laquelle un nucléotide sert de substrat à l'enzyme, que ledit nucléotide soit transformé ou non au 10 cours de cette étape enzymatique. A titre d'exemple de telles réactions sont choisies parmi celles utilisées dans les techniques de biologie moléculaire telles que la transcription, la ligation, l'elongation, la coupure et plus particulièrement dans les techniques d'amplification 15 (voir par exemple l'article de E. Winn-Deen, Journal of Clinical assay, vol 19, p21-26, (1996)).

Ainsi, les enzymes dont les activités sont liées à des nucléotides peuvent en particulier être sélectionnées dans la liste non exhaustive suivante : les ADN 20 polymérases ADN dépendantes telles que le fragment de Klenow de l'ADN polymérase I de *E. Coli*, la TAQ polymérase, les T7, T4 ou T5 ADN polymérases, les polymérases eucaryotes cellulaires ou virales, les ADN polymérases ARN dépendantes telles que les polymérases de 25 AMV (Avian Myoblastosis Virus), de MMLV (Moloney Murine Leukemia Virus) ; les ARN polymérases telles que les T7, T3 SP6, N4, PBSII ARN polymérases, l'ARN polymérases de *E. Coli* ; les enzymes à activité nucléasiques telles que les endonucléases de restriction, la Rnase H ; ou encore les 30 polyA polymérases, les réplicases comme la Q-béta-répliase, les terminal transférases ou les ligases.

Les enzymes thermostables présentant les activités enzymatiques décrites ci-dessus sont aussi utilisables dans l'invention.

Selon un mode préféré, on choisira pour la synthèse du polynucléotide fonctionnalisé les techniques utilisant une étape de transcription comme la NASBA (Nucleic Acid Sequence Based Amplification), la TMA (Transcription Mediated Amplification) ou une transcription post PCR (Polymerase Chain Reaction) comme décrit dans les articles de R.J. Lipshutz et al, Biotechniques, 19(3), p442-447, 1995 ou M. Kozal et al, Nature Medecine, 2(7), p753-759, 1996.

Les éléments et conditions nécessaires à la mise en oeuvre de ces réactions enzymatiques pour obtenir un polynucléotide sont bien connus de l'homme de métier. L'ouvrage Current Protocols in Molecular Biology, édité par F.M. Ausubel, R. Brent, R.E. Kingston, D.D. Moore J.G. Seidman, J.A. Smith et K. Struhl, John Wiley & Sons, 1996 volume 1 chapitre 3, indique les méthodes de manipulation enzymatique de l'ADN et l'ARN. De même, l'ouvrage « Molecular Methods for Virus Detection » édité par D.L. Wiedbrand et D.H. Farkas, Academic press, San Diego, 1995 notamment dans les chapitres 8, 9, 12, 13, 14, 15 et 16 donne des exemples pour les techniques d'amplification enzymatique.

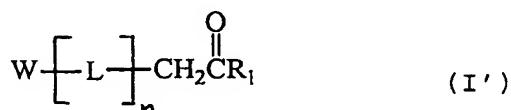
Par synthèse chimique, on entend toutes les méthodes aussi bien en phase solide qu'en phase liquide dans lesquelles un monomère nucléotidique convenablement protégé réagit avec un autre monomère ou polymère nucléotidique par une réaction de couplage.

Les méthodes de synthèse chimique sont données par exemple dans « Methods in Molecular Biology, volume 20,

Protocols for oligonucleotides and analogs », édité par S. Agrawal, Humana Press, Totowa, New Jersey, 1993 et « Methods in Molecular Biology, volume 26, Protocols for oligonucleotides conjugates », édité par S. Agrawal, 5 Humana Press, Totowa, New Jersey, 1994.

Par polynucléotide, on entend un enchaînement d'au moins 2 monomères nucléotidiques. De préférence, si le polynucléotide est synthétisé par voie chimique, la taille est inférieure à 300 nucléotides et avantageusement à 150. 10 De préférence, si le polynucléotide est synthétisé par réaction enzymatique, la taille est inférieure à 20 kb et avantageusement inférieure à 10 kb.

Les deux voies de synthèse chimique et enzymatique peuvent être combinées pour préparer un polynucléotide . 15 L'invention concerne aussi un polynucléotide fonctionnalisé marqué comprenant au moins un composé fonctionnalisé de formule générale (I') :



20

dans laquelle

W représente un analogue nucléotidique, tel que défini précédemment,

L représente un bras de liaison comportant au 25 moins quatre atomes,

n représente un indice égal à 0 ou 1,

R₁ représente une chaîne alkyle, linéaire ou ramifiée,

le groupement alkylcétone dudit composé 30 fonctionnalisé ayant interagi avec un réactif de marquage.

W, L et R₁ répondent avantageusement aux définitions données ci-dessus pour décrire des composés fonctionnalisés préférés de l'invention.

Par réactif de marquage, on entend un traceur 5 générant directement ou indirectement un signal détectable et susceptible de réagir avec la fonction alkylcétone.

Une liste non limitative de ces traceurs suit :

- les enzymes qui produisent un signal détectable par exemple par colorimétrie, fluorescence, luminescence, 10 comme la peroxydase de raifort, la phosphatase alcaline, la bêta galactosidase, la glucose-6-phosphate déshydrogénase ;

- les chromophores comme les composés fluorescents, luminescents, colorants ; 15 - les groupements à densité électronique détectable par microscopie électronique ou par leur propriété électrique comme la conductivité, l'ampérométrie, la voltamétrie, les mesures d'impédance ;

- les groupements détectables par des méthodes 20 optiques comme la diffraction, la résonance plasmon de surface, la variation d'angle de contact ou physiques comme la spectroscopie de force atomique, l'effet tunnel ;

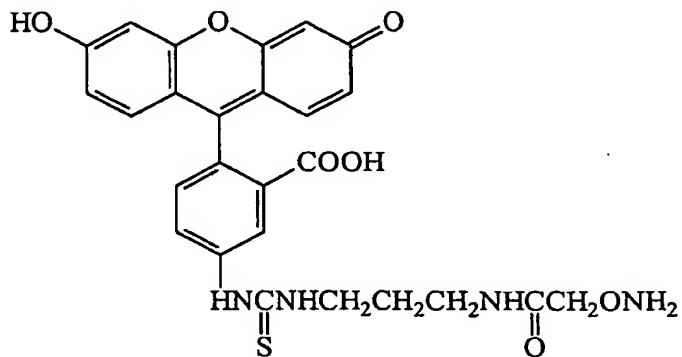
- les molécules radioactives comme le ³²P, le ³⁵S ou le ¹²⁵I.

25 De préférence, le traceur est un composé fluorescent de faible encombrement stérique comme la fluorescéine, le dansyle, les chromophores du type IR (Li-COR Inc, Lincoln NE, USA), CY5 et CY3 (Randolph J.B. and al, Nucleic Acids Res., 25(14), p2923-2929, 1997) et leurs 30 dérivés. Par faible encombrement stérique, on entend un poids moléculaire inférieur à 1000 g/mole.

Pour réagir avec la fonction alkylcétone, ce réactif de marquage doit porter une fonction nucléophile susceptible de réagir avec une fonction alkylcétone comme les fonctions alcoxyamine ou hydrazine.

5 De préférence, la fonction choisie est l'alcoxyamine qui peut être introduite par tous moyens directs ou indirects. Par moyen direct on entend une liaison covalente entre le traceur ou une molécule portant le traceur et la fonction alcoxyamine. Par moyen indirect, 10 on entend les systèmes de complexation du type métal/chélate ou les systèmes d'affinité c'est à dire les haptènes détectables par un anticorps spécifique ou une protéine comme le couple biotine/avidine ou streptavidine, sucre/lectine. Dans ce cas c'est l'anticorps ou la 15 protéine qui porte le traceur et c'est l'haptène qui porte la fonction alcoxyamine.

En particulier le réactif de marquage est de formule :



20

L'invention concerne également un support solide sur lequel est fixé par covalence un nucléotide, un nucléoside ou un polynucléotide selon l'invention.

25 Pour réaliser cette fixation, l'on fait réagir un nucléotide, un nucléoside ou un polynucléotide comportant

un groupement alkylcétone avec un support solide sur lequel est présent une fonction alcoxyamine ou hydrazine, préférentiellement alcoxyamine.

Dans un premier mode de réalisation, le 5 polynucléotide est préformé et la réaction finale consiste à greffer, à une position prédéterminée sur le support, le polynucléotide. Dans un mode particulier de réalisation, les polynucléotides sont des oligonucléotides de synthèse (par voie chimique) de taille courte (inférieure à 50 10 bases), dans un deuxième mode particulier, les polynucléotides sont de taille supérieure à 50 bases et sont préparés par des méthodes enzymatiques telles que l'amplification enzymatique.

Dans un deuxième mode de réalisation, le 15 nucléoside ou nucléotide est additionné par étapes successives (allongement de chaîne) sur le support pour obtenir à la fin du cycle de synthèse un polynucléotide greffé à une position prédéterminée sur le support solide.

Une application préférentielle de ces supports 20 greffés est d'obtenir des biopuces pour l'analyse de gènes.

A titre d'illustration, des exemples de ces biopuces sont donnés dans les publications de G. Ramsay, Nature Biotechnology, 16, p40-44, 1998 ; F. Ginot, Human 25 Mutation, 10, p1-10, 1997 ; J. Cheng et al, Molecular diagnosis, 1(3), p183-200, 1996 ; T. Livache et al, Nucleic Acids Research, 22(15), p2915-2921, 1994 ; J. Cheng et al, Nature Biotechnology, 16, p541-546, 1998 ou dans les brevets US-A-4 981 783 (Augenlicht), US-A- 30 5 700 637 (Southern), US-A-5 445 934 (Fodor), US-A- 5 744 305 (Fodor), US-A-5 807 522 (Brown).

L'invention concerne aussi un procédé de détection d'un acide nucléique cible dans un échantillon dans lequel on met en contact cet acide nucléique cible éventuellement 35 prétraité avec au moins un composé fonctionnalisé répondant à la formule (I'), en présence des éléments et

5 dans des conditions nécessaires à l'obtention d'un polynucléotide de l'invention, pour obtenir un polynucléotide fonctionnalisé ; à marquer ledit polynucléotide avec un réactif de marquage puis à détecter ledit polynucléotide marqué. Les éléments et conditions précités sont bien connus de l'homme du métier.

10 Par prétraitements, on entend les différentes étapes de traitement de l'échantillon pour rendre accessible l'acide nucléique cible, comme par exemple, la lyse, la fluidification, la concentration.

15 De préférence le polynucléotide fonctionnalisé est obtenu par une réaction d'amplification enzymatique qui agit sur l'acide nucléique cible qui sert de matrice et qui est capable d'incorporer le nucléotide fonctionnalisé.

20 Avantageusement la technique d'amplification enzymatique est la NASBA (Nucleic Acid Sequence Based Amplification), la TMA (Transcription Mediated Amplification) ou une transcription post PCR (Polymerase Chain Reaction) comme décrit dans les articles de R.J. Lipshutz et al, Biotechniques, 19(3), p442-447, 1995 ou M. Kozal et al, Nature Medecine, 2(7), p753-759, 1996.

25 Le polynucléotide marqué peut être détecté qualitativement et/ou quantitativement en phase homogène ou hétérogène. Un mode préférentiel de détection consiste à fixer le polynucléotide marqué sur un support solide par l'intermédiaire d'une réaction d'hybridation entre le polynucléotide marqué et un autre polynucléotide lui même fixé sur le support solide puis à révéler la présence du polynucléotide marqué après une étape de lavage. Cette 30 révélation se fait directement par lecture comme par exemple avec un scanner ou une caméra si le traceur est une molécule fluorescente.

35 Le procédé de détection est particulièrement utile dans le cas où une multitude de polynucléotides sont fixés sur le support solide à une position prédéterminée pour former une « puce à ADN ».

En effet, la densité des polynucléotides fixés sur le support solide imposent des contraintes stériques importantes lors de l'hybridation et le polynucléotide marqué selon l'invention permet une bonne sensibilité de 5 détection. Des exemples de ces puces sont donnés par exemple cités dans les publications et brevets mentionnés précédemment.

Le procédé de détection est applicable pour le séquençage, le profil d'expression des ARN messagers ou le 10 criblage de mutation, le diagnostic de maladies infectieuses ou génétiques.

Une étape de fragmentation peut avoir lieu pour favoriser l'hybridation du polynucléotide marqué sur la puce à ADN, avant, conjointement ou après l'étape de 15 marquage.

L'invention concerne en outre un procédé de détection d'un acide nucléique cible dans un échantillon dans lequel on met en contact cet acide nucléique cible avec un polynucléotide fonctionnalisé de l'invention, on 20 fait réagir le réactif de marquage et l'on détecte la présence de l'acide nucléique cible.

Un autre moyen de pratiquer l'invention est de faire réagir, avant l'hybridation avec l'acide nucléique cible, le polynucléotide fonctionnalisé et le réactif de 25 marquage. Cet acide nucléique cible peut avoir été amplifié par une technique d'amplification enzymatique.

Enfin, l'invention concerne le procédé de détection d'un acide nucléique cible selon lequel on dispose d'un polynucléotide marqué de l'invention, on met 30 en contact l'acide nucléique avec le polynucléotide marqué et on détecte la présence de l'acide nucléique cible.

Le terme « support solide » tel qu'utilisé ici inclut tous les matériaux sur lesquels peut être immobilisé un polynucléotide pour une utilisation dans des 35 tests diagnostiques et dans des processus de séparation. Des matériaux naturels ou de synthèse, modifiés ou non

chimiquement peuvent être utilisés comme support solide, notamment les polysaccharides tels que les matériaux à base de cellulose, par exemple du papier, des dérivés de cellulose tels que l'acétate de cellulose et la 5 nitrocellulose, du dextran ; des polymères tels que polychlorures de vinyle, polyéthylènes, polystyrènes, polyacrylates, polyamides, ou des copolymères à base de monomères du type styrène, esters d'acides carboxyliques insaturés, chlorure de vinylidène, diènes ou composés 10 présentant des fonctions nitrile (comme l'acrylonitrile) ; des copolymères chlorure de vinyle/propylène, chlorure de vinyle/acétate de vinyle ; des fibres naturelles telles que le coton et des fibres synthétiques telles que le nylon ; des matériaux inorganiques tels que la silice, le 15 quartz des verres, des céramiques ; des latex, c'est-à-dire des dispersions aqueuses colloïdales d'un polymère quelconque insoluble dans l'eau; des particules magnétiques ; des dérivés métalliques, des gels etc.

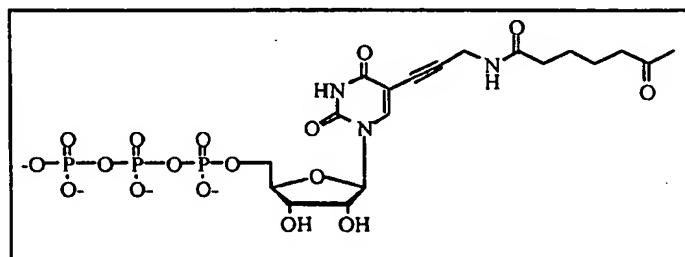
Les exemples qui suivent permettent d'illustrer 20 quelques avantages de l'invention sans toutefois en limiter la portée.

La Figure annexée représente les rendements de transcription mesurés en fonction du nucléotide utilisé.

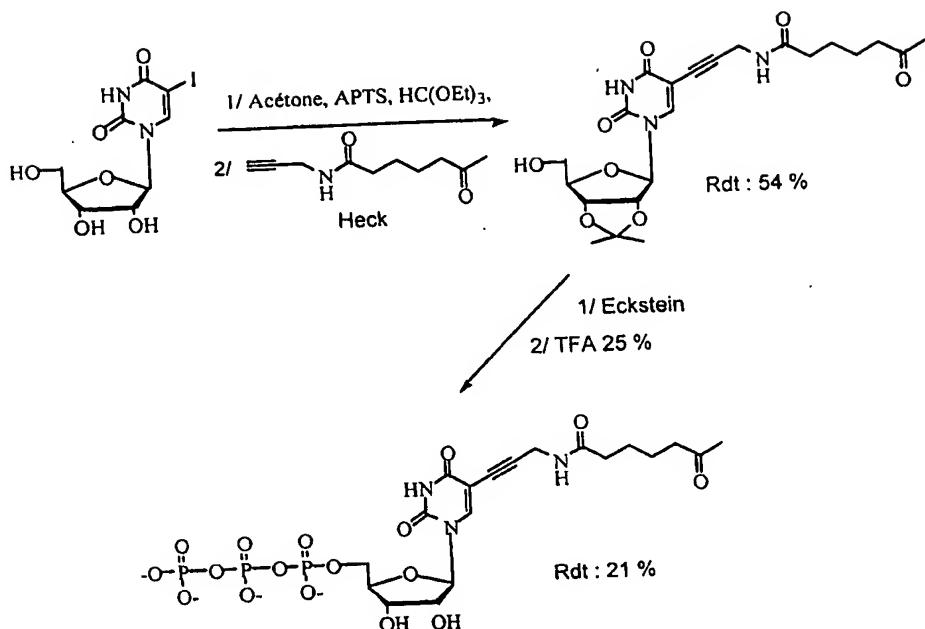
25

EXEMPLE I : SYNTHESE DE NUCLEOTIDES METHYLCETONES

I.1. Synthèse de l'Uridine(C5)-C9-méthylcétone 1



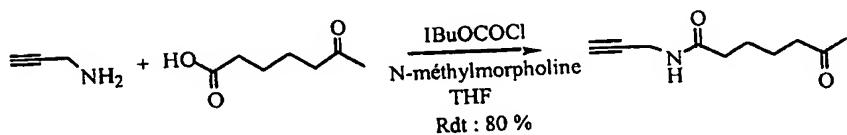
Voie de synthèse :



5 La protection des positions 2',3'-OH est réalisée par action de l'acétone en milieu acide selon le protocole décrit dans "Nucleic acid chemistry, Editors Townsend-Tipson, Wiley-Interscience, John Wiley & Sons, p 765-766 (1978)".

10 **Synthèse de la chaîne méthylcétone**
L'introduction du motif méthylcétone sur le bras se fait par couplage peptidique entre la propargylamine et l'acide 6-oxo-heptanoïque.

15



On solubilise l'acide 6-oxo-heptanoïque (2,75 g, 18,16 mmol) dans 40 ml de THF anhydre. La solution est placée à 0°C sous atmosphère d'argon. On ajoute alors la N-méthylmorpholine (2ml, 18,16 mmol) puis la 5 propargylamine (1,25 ml, 18,16 mmol) après 15 min et on laisse revenir à température ambiante. Après 30 minutes de réaction, on filtre le précipité et on évapore à sec.

Le résidu obtenu est repris dans du dichlorométhane et est lavé avec une solution aqueuse de soude 0,1N puis avec une solution aqueuse de l'acide chlorhydrique 1N et enfin avec de l'eau saturée en chlorure de sodium.

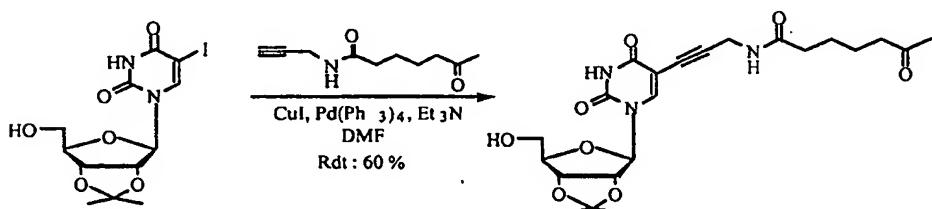
Après séchage sur Na_2SO_4 , le dichlorométhane est évaporé et le résidu est chromatographié sur gel de silice 15 (éluant : acétate d'éthyle). On obtient ainsi le produit sous forme d'une poudre blanche (2,6 g, 14,4 mmol ; 80 %).

La chaîne méthylcétone a été caractérisée par RMN du proton, RMN du Carbone 13 et par spectrométrie de masse.

20

Introduction de la chaîne méthylcétone sur le nucléoside : couplage de Heck (Hobbs, *J. Org. Chem.*, 1989, 54, 3420-3422)

25



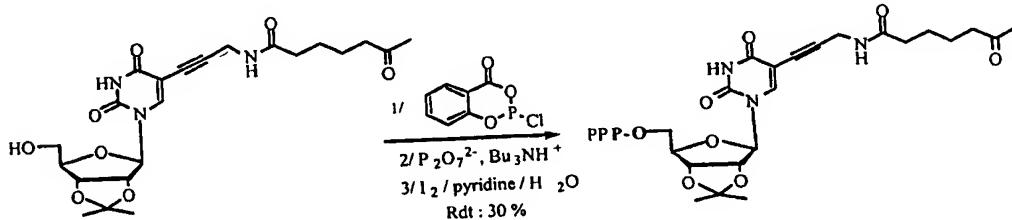
A 5 ml de DMF dégazés et placés sous argon, on 30 ajoute de la 5-iodouridine 2',3'-isopropylidène (500 mg ;

1,22 mmol) et de l'iodure de cuivre (44 mg, 0,232 mmol). La réaction est placée à l'obscurité puis on ajoute de la triéthylamine (323 μ l, 2,32 mmol) et la chaîne contenant la fonction méthylcétone (630 mg, 3,48 mmol).

5 Le mélange est laissé sous argon pendant 10 minutes. On ajoute alors le tétrakis-triphénylphosphine palladium (134 mg, 0,116 mmol). Après 3 heures de réaction, on évapore la DMF et on coévapore avec de l'acétonitrile. Le résidu est repris dans de l'acétate d'éthyle et la phase organique est lavée avec une solution 10 d'éthyle et la phase organique est lavée avec une solution aqueuse saturée en chlorure de sodium. Après séchage sur Na_2SO_4 et évaporation, le résidu est chromatographié sur gel de silice (éluant : acétate d'éthyle/méthanol : 90/10).

15 Après évaporation on obtient le nucléoside méthylcétone sous forme d'une poudre blanchâtre (340 mg, 0,73 mmol, 60 %). Le produit a été caractérisé par RMN du proton, du Carbone 13 et par spectrométrie de masse. On obtient ainsi le nucléoside méthylcétone correctement 20 protégé pour l'introduction du triphosphate en 5'.

25 54, 631-635

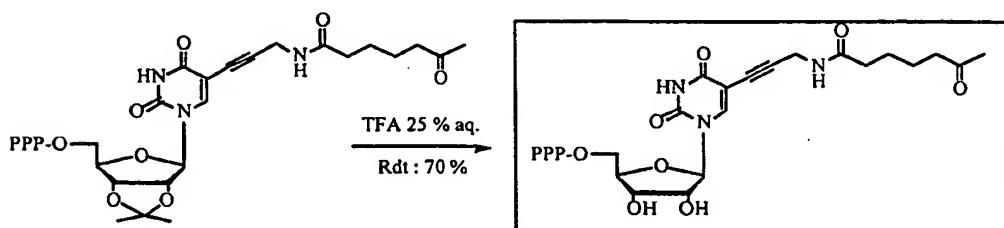


Le nucléoside méthylcétone (46 mg, 0,1 mmol) est dissous dans de la pyridine anhydre et est évaporé 2 fois. On ajoute alors sous argon 100 ml de pyridine, 300 ml de dioxane et une solution fraîchement préparée de 2-chloro-5 4H-1,2,3-dioxaphosphorin-4-one (1 M) dans du dioxane (130 μ l ; 130 μ mol), on laisse l'agitation pendant 20 minutes puis on ajoute une solution 0,5 M de pyrophosphate de tributylammonium dans de la DMF anhydre (320 μ l, 0,16 mmol) et simultanément 130 μ l de tributylamine. Après 30 10 minutes, on ajoute 2 ml d'une solution d'iode à 1 % dans un mélange pyridine / eau (98/2 : v/v).

Après 20 minutes d'agitation on détruit l'excès d'iode avec une solution aqueuse de NaHSO₃ à 5 % et on maintient l'agitation pendant 10 minutes. On évapore à sec 15 et on effectue une extraction avec un mélange eau/dichlorométhane. La phase aqueuse est évaporée puis on effectue une chromatographie (flash) en phase inverse C18 (éluant : eau/méthanol 1/1). Les fractions contenant le produit sont évaporées et l'échange de contre ion est 20 réalisé par passage sur résine Dowex,Na⁺. On récupère ainsi le triphosphate protégé (0,03 mmol ; 30%).

Déprotection

25



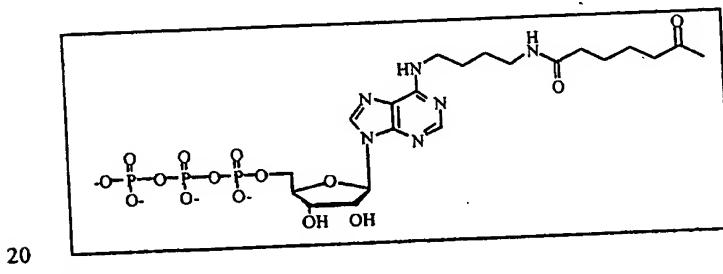
1

Le triphosphate protégé (0,03 mmol) est repris dans 15 ml d'eau milli-Q auxquels 15 ml d'une solution aqueuse de TFA à 25 % sont ajoutés. La solution est agitée pendant 15 minutes puis on évapore et coévapore 2 fois avec de l'eau.

On reprend dans 10 ml d'eau milli-Q et on neutralise avec de la soude 0,1 N jusqu'à pH 8. Après l'évaporation Le triphosphate protégé est purifié sur phase inverse C18 (H₂O puis H₂O/MeOH, 1/1). L'échange de contre-ion est réalisé par passage sur résine échangeuse de cations (Dowex Na⁺). Les fractions contenant le produit sont évaporées et dosées. On récupère ainsi 0,021 mmol (70 %) du nucléoside uridine(C5)-C9-méthylcétone triphosphate 1 qui a été caractérisé par RMN du proton, RMN du carbone 13, et par RMN du phosphore 31.

I.2. Synthèse de l'Adénosine(N6)-C10-méthylcétone

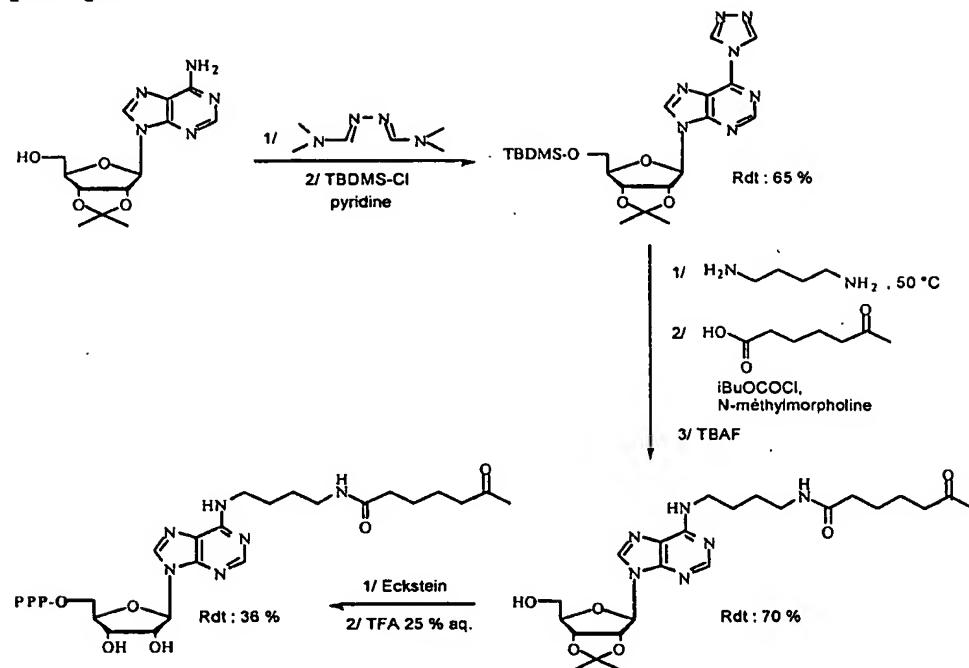
2



Voie de synthèse

L'introduction du diaminobutane en position 6 de l'adénosine est réalisée par substitution du groupement triazolo porté par le nucléoside intermédiaire protégé. La fonction méthylcétone est ensuite introduite par couplage peptidique au niveau nucléosidique. Après déprotection du groupement silyle en 5', la phosphorylation est effectuée par la méthode de Eckstein. Après déprotection on obtient

le triphosphate attendu, caractérisé par RMN du proton, du phosphore 31.



5

Synthèse du nucléoside triazolo protégé

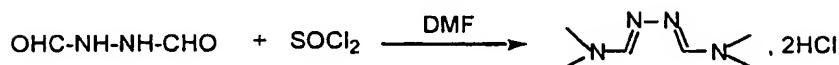
Préparation de l'adénosine 2', 3'-isopropylidyde

(Nucleic Acid Chemistry, part 2, Editors Townsend, Tipson, Wiley Interscience, John Wiley & Sons p. 768, 10 (1978))

A une suspension d'adénosine (5 g, 18,7 mmol) dans de l'acétone (10 ml) contenant de l'APTS (acide para-toluène sulfonique) (3,9 g, 20,6 mmol), on ajoute goutte à goutte sous argon de l'orthoformate d'éthyle (12,44 ml, 15 74,8 mmol). Après une nuit de réaction, on ajoute 110 ml d'eau contenant 1,86 ml d'ammoniaque à 27 %. Après 30 minutes d'agitation, le milieu réactionnel est évaporé jusqu'à apparition de cristaux blancs. Après 12 h à +4°C, on obtient un précipité blanc que l'on recristallise dans 20 l'eau. On obtient 4,17 g (13,5 mmol, 72 %) de produit sous

forme d'une poudre blanche. Cet intermédiaire a été caractérisé par RMN du proton.

Synthèse de l'amidine (Bartlett et Humphreg, J. 5 Chem. Soc., 1967, 1664-1666)



10

Le chlorure de thionyle (39,96 g, 24,5 ml, 0,338 mol) est ajouté goutte à goutte au N-N'-diformylhydrazine (12 g, 0,136 mol) dans le DMF (270 ml) à 10°C. Le mélange devient jaune. On maintient l'agitation pendant 2 jours.

15 Le précipité obtenu est filtré et lavé par de la DMF puis par de l'éther. Après séchage sous vide, on obtient l'amidine avec un rendement de 95 % (28 g, 0,130 mol).

Préparation de l'intermédiaire triazolo (Samano,

20 Miles, Robins, J. Am. Chem. Soc., 1994, 116, 9331-9332)

L'adénosine-isopropylidène (1 g, 3,2 mmol) et l'amidine décrite ci-dessus (1,4 g, 6,5 mmol) sont agitées dans de la pyridine (15 ml) à 100°C sous argon pendant 48 h. La pyridine est alors évaporée et coévaporée avec du 25 toluène. L'huile obtenue est ensuite reprise par de l'acétate d'éthyle et cette phase organique est lavée avec de l'eau saturée en NaCl. Après séchage sur Na_2SO_4 et évaporation, on obtient le nucléoside triazolo sous forme d'une poudre blanche avec un rendement de 60 % (700 mg, 30 1,9 mmol). Il a été ensuite caractérisé par RMN du proton.

Protection en 5'-du dérivé triazolo

On solubilise le nucléoside triazolo (1 g, 2,8 mmol) dans 20 ml de pyridine. On ajoute à 0°C sous argon

le (TBDMS - Cl, Chlorure de terbutyldiméthylsilyle), (462 mg, 3 mmol). On maintient l'agitation pendant deux heures puis on évapore la pyridine. Le résidu ainsi obtenu est chromatographié sur gel de silice (éluant : 5 CH_2Cl_2 : Méthanol : 95/5). Après évaporation, on obtient l'adénosine intermédiaire totalement protégé sous forme d'une poudre blanche (1,25 mg, 2,6 mmol, 93 %). Ce nucléoside a été caractérisé par RMN du proton, du carbone 13 et par spectrométrie de masse.

10

Introduction de la chaîne diaminobutane sur l'adénosine intermédiaire protégé

L'adénosine triazolo (1,25 mg, 2,64 mmol) est solubilisé dans 10 ml d'acétonitrile. On ajoute alors la 15 diaminobutane (2,7 ml, 25,4 mmol) et on agite à 50°C sous argon. Après 5 heures, on évapore le solvant et on reprend le résidu dans de l'acétate d'éthyle. On lave cette phase organique avec de l'eau saturée en NaCl. Après séchage sur Na_2SO_4 et évaporation en chromatographie sur gel de silice 20 (éluant : CH_2Cl_2 / MeOH : 8/2, puis CH_2Cl_2 / MeOH : 8/2 en présence de 2% d'ammoniaque).

Après évaporation, on obtient le produit sous forme d'une huile (1 g, 2 mmol, 80%).

Le nucléoside aminé a été caractérisé par RMN du 25 proton, du carbone 13 et par spectrométrie de masse.

Couplage à la chaîne méthylcétone et déprotection en 5'

L'acide 6-oxo-heptanoïque (288 mg, 2 mmol) est 30 dissous dans 5 ml de THF anhydre. On place la solution à 0°C sous argon. On ajoute alors la N-méthylmorpholine (223 μl , 2 mmol) et après 5 min, le dichloroformiate d'isobutyle (258 μl , 2 mmol). Après 15 minutes, on rajoute le nucléoside aminé. Après 2 heures, on évapore le THF et

on reprend le résidu par de l'éther. On lave avec une solution aqueuse de NaOH 1N puis avec de l'eau saturée en NaCl. Après séchage sur Na₂SO₄ et évaporation on obtient une huile. On effectue la désilylation en reprenant l'huile dans 10ml de THF auxquels on ajoute du TBAF (3,25 ml d'une solution de 1M dans THF). Après une heure on évapore le solvant. On solubilise le résidu dans du dichlorométhane et on effectue un lavage avec de l'eau saturée en NaCl. Après séchage et évaporation, le résidu 5 est chromatographié sur gel de silice (éluant : CH₂Cl₂, 10 puis CH₂Cl₂ / MeOH : 95/5).

Après évaporation on obtient 870 mg du nucléoside portant la fonction méthylcétone et déprotégé en 5' (1,7 mmol, 85 % sur 2 étapes). Il est caractérisé par RMN 15 du proton, du carbone 13 et par spectrométrie de masse.

**Phosphorylation et obtention du nucléotide
Adénosine-(N6)-C10-méthylcétone 2**

L'adénosine-(N6)-C10-méthylcétone protégé en 2', 20 3' par l'isopropylidène est dissous dans de la pyridine anhydre et est évaporée deux fois. On ajoute alors sous argon 500 µl de pyridine, 1,5 ml de dioxane et une solution fraîchement préparée de 2-chloro 4H-1,2,3-dioxaphosphain-4-one (1 M) dans le dioxane (650 µl, 0,65 25 mmol). On laisse l'agitation pendant 20 minutes puis on ajoute une solution 0,5 M de pyrophosphate de tributylamonium dans de la DMF anhydre (1,6 ml, 0,8 mmol) et simultanément 650 µl de tributylamine.

Après 30 minutes, on ajoute 10 ml d'une solution 30 d'iode à 1% dans un mélange pyridine/eau (98/2, v/v). Après 20 minutes, on détruit l'excès d'iode avec une solution aqueuse de NaHSO₃ à 5% et on maintient l'agitation pendant 10 minutes on évapore à sec et on effectue une extraction eau/dichlorométhane. La phase aqueuse est

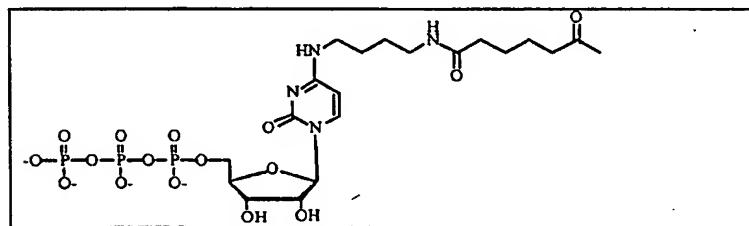
évaporée puis on effectue une purification en phase inverse (C18), (éluant : H₂O/MeOH). Les fractions contenant le produit sont évaporées et l'échange de contre ion est réalisé par passage sur résine Dowex, Na⁺. On récupère 5 ainsi le triphosphate protégé (0,28 mmol, 56 %).

Déprotection

On reprend 0,035 mmol de triphosphate protégé dans 17,5 ml d'eau milli-Q auxquels on rajoute 17,5 ml d'une 10 solution aqueuse de TFA à 25%. On agite pendant 15 minutes puis on évapore et coévapore deux fois avec de l'eau, on reprend dans 10 ml d'eau milli-Q et on neutralise avec de la soude 0.1 M jusqu'à pH 8. Après évaporation, on effectue une purification en C18 (éluant: H₂O ; H₂O / 15 MeOH). Les fractions contenant le produit sont évaporées et dosées. On obtient ainsi 0,022 mmol (63%) de l'adénosine-(N6)-C10-méthylcétone triphosphate 2.

I.3. Synthèse de la cytidine (N4)-C10-méthylcétone

20 3

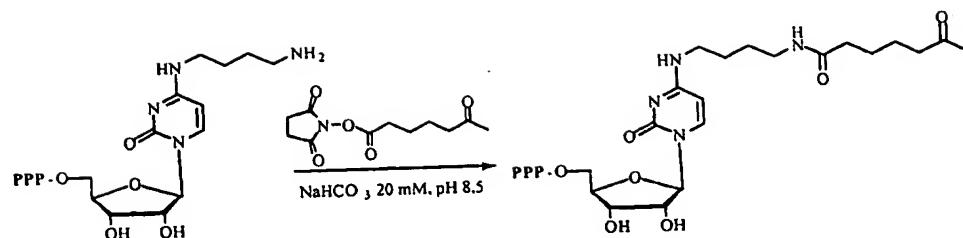


3

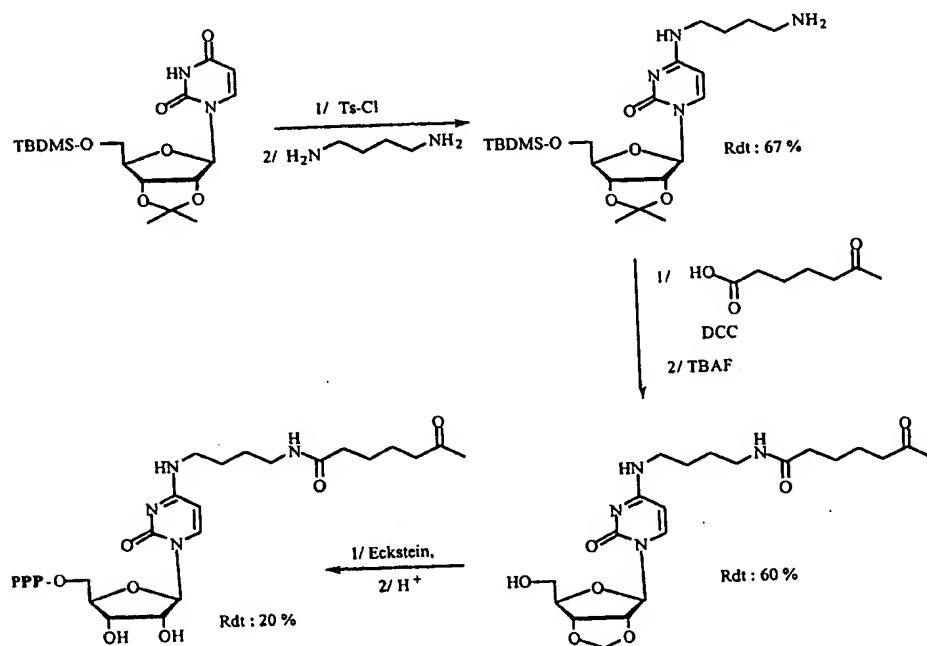
25

Ce nucléotide a été préparé de deux façons :

- Voie nucléotidique : couplage entre un ester activé de la chaîne méthylcétone et la cytidine triphosphate aminé.



- Voie nucléosidique : synthèse du nucléoside
5 méthylcétone puis phosphorylation par la méthode de
Eckstein.



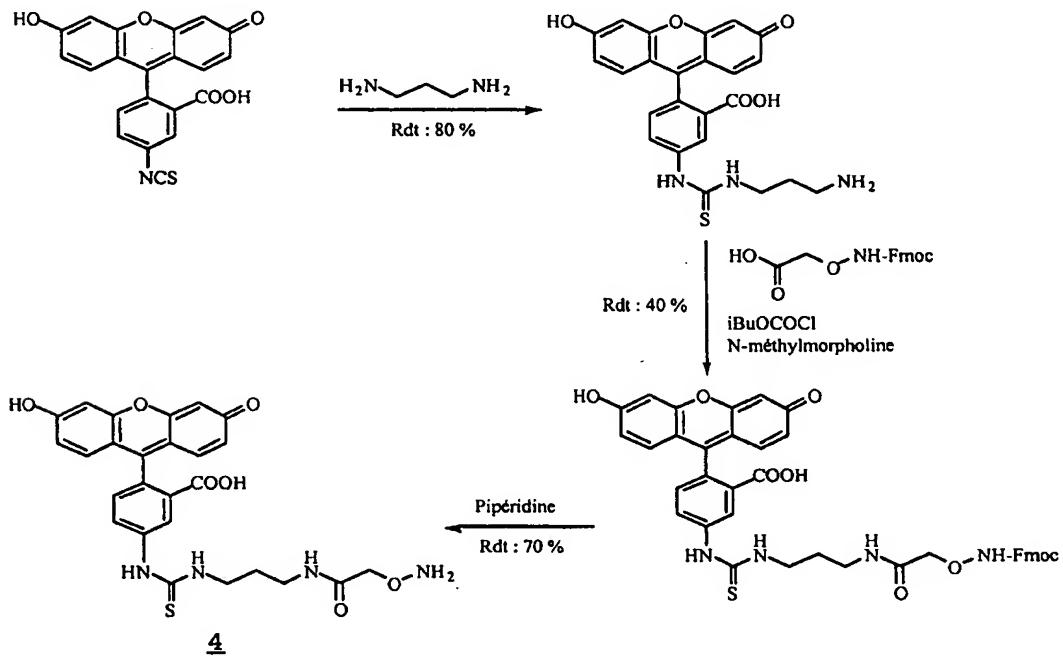
10

15

EXEMPLE II : SYNTHESE DU FLUOROPHORE OXYAMINE 4

II. 1. Schémas de synthèse

L'introduction de la chaîne oxyamine sur la fluorescéine se fait en trois étapes : la première étape est une addition nucléophile du 1,3-diaminopropane sur l'isothiocyanate de fluorescéine (FITC). Après purification en phase inverse, le motif oxyamine protégé sous forme de Fmoc est introduit par couplage peptidique. 10 L'oxyamine libre est générée par déprotection en milieu basique.



15

Introduction de la chaîne 1,3-diaminopropane :

On ajoute à 20 ml de DMF anhydre de la 20 diaminopropane (585 µl, 6,96 mmol). On additionne alors, sous argon, goutte à goutte de l'isothiocyanate de fluorescéine (FITC), (500 mg, 1,16 mmol) solubilisé dans

7 ml de DMF anhydre. On maintient l'agitation pendant 15 minutes après la fin de l'addition. On évapore à sec et on coévapore deux fois avec de l'eau. Le résidu est chromatographié en phase inverse (C18) : (Eluant : H₂O / 5 MeOH : 1/1).

On récupère ainsi le produit sous forme d'une poudre orange (420 mg, 0,93 mmol, 80 %). Il est caractérisé par RMN du proton, du Carbone 13 et par spectrométrie de masse.

10

Introduction du groupement alcoxyamine protégé :

On solubilise la carboxyalcoxyamine protégée par le Fmoc : HOOC - CH₂ - ONH - Fmoc (473 mg, 1,5 mmol dans 10 ml de DMF anhydre). On place à 0°C sous argon. On ajoute 15 alors la N-méthylmorpholine (166 µl, 1,5 mmol) et après 15 minutes on ajoute la fluorescéine portant la chaîne diaminopropane (350 mg, 0,75 mmol). Après 1 heure de réaction, on évapore à sec la DMF. Le résidu obtenu est chromatographié sur gel de silice (CH₂Cl₂ / MeOH : 85/15 20 (dépôt solide). On obtient ainsi la fluorescéine-alcoxyamine protégée sous forme d'une poudre orange (227 mg, 0,3 mmol, 40 %). Il est caractérisé par RMN du proton, du Carbone 13 et par spectrométrie de masse.

25

Obtention du marqueur fluorescéine-alcoxyamine 4 :

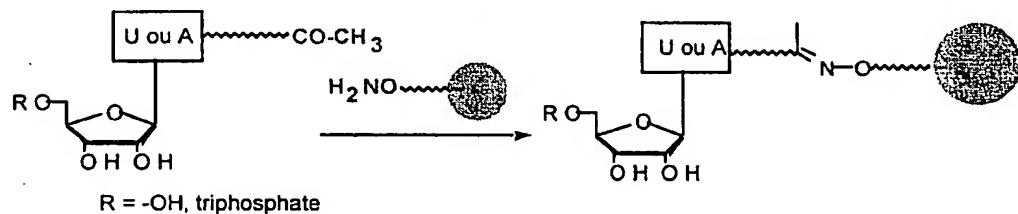
On solubilise la fluorescéine protégée par le fmoc (100 mg, 0,13 mmol) dans 2 ml de DMF anhydre. On ajoute alors de la pyridine (20 µl, 0,2 mmol). Après 15 minutes, on évapore à sec puis on effectue une purification en 30 phase inverse C18 (éluant : H₂O /CH₃CN : 1/1 puis CH₃CN). Après évaporation, on obtient le produit sous forme d'une poudre orange (49 mg, 0,09 mmol, 70%). Ce fluorophore a

été caractérisé par RMN du proton, RMN ^{13}C et par spectrométrie de masse.

5

**EXEMPLE III : REACTIVITE DES COMPOSES METHYLCEZONE
AVEC LE FLUOROPHORE**

La réactivité a été testée au niveau nucléosidique
10 et au niveau nucléotidique :



La réaction est réalisée en présence de 1,1 eq. de
15 fluorophore- ONH_2 (4) par rapport au composé méthylcétone. La réaction est rapide et sélective. Au niveau nucléosidique, les adduits ont été caractérisés par RMN du proton et par spectrométrie de masse.

20 **EXEMPLE IV : INCORPORATION DES URIDINES-METHYLCEZONE ET MARQUAGE POST- TRANSCRIPTION**

**IV.1. Description des étapes principales
Transcriptions**

25 Les transcriptions ont été réalisées à partir de cible PCR (fragment de l'ARN 16 S de *Mycobacterium Tuberculosis* (Mtb) (Troesch A. et al, J. Clin. Microbiol., 37(1), 49-55, 1999) ou fragment de la reverse transcriptase de HIV (Kozal M.J. et al, Nature Medecine, 30 2(7), 753-759, 1996) en utilisant la T7 RNA polymérase et

différents rapports entre le nucléotide fonctionnalisé et les nucléotides naturels, tout en gardant à 1mM la concentration totale de chaque nucléotide. Ce rapport entre le nucléotide fonctionnalisé et le nucléotide naturel correspondant est exprimé en pourcentage et les rapports utilisés sont en général 0, 30, 70 et 100 %. Le point à 0 % sert de témoin de transcription, puisque dans ce cas il n'y a pas de nucléotide fonctionnalisé et la réaction de transcription comporte les 4 nucléotides naturels. Dans le cas d'un rapport à 100%, cela signifie que le nucléotide fonctionnalisé représente 100% du nucléotide étudié (les trois autres nucléotides nécessaires à la réaction de transcription étant naturellement les nucléotides naturels). Ce rapport de 100% pour un nucléotide fonctionnalisé est le test le plus significatif de la neutralité vis-à-vis d'une réaction enzymatique puisque l'enzyme doit incorporer ce nucléotide pour fonctionner correctement. Le temps d'incubation de la réaction de transcription est de 1h à 42°C.

Les transcriptions sont analysées par électrophorèse sur gel de polyacrylamide en conditions dénaturantes (6% acrylamide, 7M urée, 1XTBE). Le volume déposé est de 5 µl et la migration s'effectue pendant 45 min à 150 V. La visualisation des transcripts, naturels ou fonctionnalisés avec la fonction méthylcétone est réalisée sous lampe UV après coloration au bromure d'éthidium.

Dosage

La quantité de transcrits produits dans chaque réaction est déterminée par dosage UV après purification d'un aliquote issu d'une réaction de transcription.

Digestion enzymatique

Les transcrits sont purifiés sur des filtres microcon-50 (Amicon, Beverly, MA) pour éliminer l'excès de nucléotides non incorporés. Ils sont ensuite hydrolysés 5 selon le protocole décrit dans la demande de brevet WO98/05766 en utilisant la nucléase P1 (Boehringer référence 2362251, 2U, 2h à 37°C) et la phosphatase alcaline (Boehringer-Mannheim référence 713023, 1U, 1h à 37°C). Les digestions sont menées sur 4.10^{14} copies de 10 transcrits. La composition en nucléosides est déterminée par CLHP en phase inverse, par comparaison avec des standards nucléosidiques composés d'un mélange de nucléosides naturels.

Les conditions CLHP sont les suivantes :

15 - colonne C18 analytique (250 x 4,6 mm) chauffée à 45°C,
- éluants : A : tampon phosphate de sodium, 50 mM, pH 7 ; B : MeOH/H₂O : 95/5, v/v
- gradient : 0 % de B pendant 10 min, jusqu'à 30 % 20 de B en 10 min, jusqu'à 80 % de B en 10 min, 5 min à 80 % de B, jusqu'à 100 % de B en 2 min.

Marquage

Le marquage des transcrits est réalisé en 25 utilisant différentes proportions de fluorophore. Le temps de réaction est de 30 min à température ambiante. Le marquage a été effectué sur les transcrits générés à partir de cible Mtb et/ou cible HIV, obtenus par incorporation de 100 % d'un nucléotide méthylcétone. Dans 30 un premier temps, les transcrits marqués sont analysés par électrophorèse sur gel de polyacrylamide et visualisés sous UV, avant et après coloration au bromure d'éthidium.

Clivage

Avant d'hybrider sur la puce à ADN un clivage des transcrits marqués est réalisé à 65°C pendant 30 min en utilisant de l'imidazole et du chlorure de manganèse (MnCl₂) à une concentration de 30 mM chacun.

Hybridation sur puce à ADN

Après clivage, les fragments obtenus sont hybridés, détectés et analysés sur puce à ADN (Affymetrix, 10 Santa Clara, CA, USA) selon le protocole fourni par le constructeur.

Les puces dites « myco » sont conçues pour le reséquençage de la région 213-415 de la séquence M20940 « Genbank » de l'ARN 16S de *Mycobacterium tuberculosis* 15 (Troesch A. et al, J. Clin. Microbiol., 37(1), 49-55, 1999). Celles dites « HIV PRT 440 » sont conçues pour le reséquençage des régions RT (reverse transcriptase) et 20 protéase du virus HIV (Kozal M.J. et al, Nature Medecine, 2(7), 753-759, 1996).

10¹⁴ copies sont hybridées sur la puce dans le cas transcript Mtb.

5.10¹² copies sont hybridées sur la puce dans le cas du transcript HIV.

IV. 2. Résultats

Incorporation du nucléotide uridine(C5)-C9-méthylcétone 1 (U-COCH₃)

5

Cible utilisée	Rapport entre nucléotide fonctionnalisé U-COCH ₃ et nucléotide naturel	Transcrits produits (copies / microlitres)
Mtb	0%	5,0 ^E +13
	30%	5,0 ^E +13
	70%	3,0 ^E +14
	100%	0,8 ^E +14
HIV	0%	0,9 ^E +12
	70%	0,9 ^E +12
	100%	0,9 ^E +12

Les résultats du tableau ci-dessus montrent que le nucléotide uridine-méthylcétone (1) est très bien incorporé par la T7 RNA polymérase. Ceci permet la 10 production de transcrits activés capables de réagir avec un marqueur portant la fonction alcoxyamine.

Evaluation de l'incorporation par CLHP

Dans le profil chromatographique de l'hydrolysat 15 des transcrits contenant 100% de U-COCH₃ (1) et obtenus à partir de cible Mtb, on retrouve bien le pic qui correspond au nucléoside U-méthylcétone (temps de rétention 26,2 minutes) ce qui signifie que le nucléotide n'est pas modifié pendant les étapes de transcription et 20 de digestion enzymatique. On remarque aussi l'absence du pic correspondant à l'uridine naturelle (temps de rétention 14,97 minutes).

Ceci montre que le nucléotide U-méthylcétone est bien incorporé et peut être utilisé à 100% dans une réaction de transcription.

5 *Evaluation du marquage par gel de polyacrylamide*

Les marquages ont été réalisés sur les transcrits bruts générés à partir de cible Mtb en utilisant 100% du nucléotide U-COCH₃, (1). On a fait varier la quantité en fluorophore par rapport au nombre de sites réactifs. Ces 10 rapports sont : 2, 5, 10, 15, 20 et 50 équivalents de fluorophore-ONH₂. 10 équivalents conviennent pour avoir un marquage intense et sélectif.

Sur un gel de marquage en utilisant 5, 10 et 15 eq. du fluorophore avant coloration au BET, on observe un 15 marquage plus ou moins intense selon le nombre d'équivalents de fluorophore utilisé mais quelque soit la quantité de marqueurs utilisée, une bande est visible. On remarque aussi l'apparition de nouvelles bandes à forte dose de fluorophore. Ceci est certainement dû à une 20 densité importante du marqueur sur la cible.

Hybridation et analyse des résultats

Les transcrits Mtb et HIV générés à partir de cibles correspondantes, utilisant 100% d' UTP-COCH₃ (1), 25 ont subi les traitements décrits précédemment. Pendant l'étape de clivage, un agent « bloquant » (acétone ou glutaraldéhyde) a été utilisé afin d'éviter une saturation de la puce par l'excès de fluorophore-ONH₂ qui s'adsorbe sur la surface de celle-ci. L'hybridation est réalisée en 30 utilisant la station d'hybridation Gene Chip fluidics Station (800101 Affymetrix, Santa Clara, CA), les puces et les tampons appropriées, et le protocole fourni par le constructeur.

Les paramètres pourcentage des bases appelées (Base Call), intensité moyenne des signaux, intensité médiane et le bruit de fond ont été calculés en utilisant le logiciel fourni par le constructeur (GenChip sequence analysis system, référence 900135, Affymetrix, Santa Clara, CA). Les résultats sont donnés dans les deux tableaux ci-dessous. L'intensité du signal est exprimée en RFU (unités de fluorescence du constructeur).

10

Transcrits Mtb :

Cible	Bases appelées (%)	Intensité Moyenne (RFU)	Intensité médiane (RFU)
• <i>Mycobacterium Tuberculosis</i> Transcrits 100% U-COCH ₃ 100eq Fluo-ONH ₂ + 100 eq acétone	97,7	3540	3260
20 eq Fluo-ONH ₂ + 20 eq glutaraldéhyde	92,4	12630	11970

Base appelée : pourcentage de bases correctement identifiées.

Transcrits HIV

cible	Bases appelées (%)	Intensit é moyenne (Rfu)	Intensité Médiane (Rfu)
• HIV Transcrits 70% U-COCH ₃ , 10 eq Fluo-ONH ₂ + 10 eq glutaraldéhyde Transcrits 100% U-COCH ₃ , 10 eq Fluo-ONH ₂ + 10 eq glutaraldéhyde	98,8	2175	1765
Transcrits 100% U-COCH ₃ , 5 eq Fluo-ONH ₂ sans bloquant	99,0	2675	2090
Transcrits 100% U-COCH ₃ , 5 eq Fluo-ONH ₂ + 5 eq glutaraldéhyde	97,5	4750	4095
Transcrits 100% U-COCH ₃ , 2 eq Fluo-ONH ₂ sans bloquant	98,5	1825	1550
Transcrits 100% U-COCH ₃ , 2 eq Fluo-ONH ₂ + 2 eq glutaraldéhyde	98,3	2380	2035
	98,8	620	540

Dans les deux cas Mtb et HIV, on observe un marquage très efficace avec des intensités supérieures à 1000 Rfu et des pourcentages de reséquençage (bases appelées) voisins de 100%. Ces résultats montrent que la réaction entre l'alcoxyamine et méthylcétone, démontrée au stade monomère, est aussi spécifique et efficace entre des séquences ARN contenant des fonctions méthylcétone et le marqueur fluorescent portant la fonction alcoxyamine. En effet, avec seulement 2 équivalents de marqueur alcoxyamine par fonction méthylcétone, on obtient suffisamment de fragments de transcrits marqués et détectables.

EXEMPLE V : INCORPORATION DE LA CYTIDINE-METHYLCETONE 3 ET MARQUAGE POST-TRANSCRIPTION

La cytidine 3 a été incorporée à 100% dans des ARN transcrits de Mtb comme décrit dans l'exemple III. Le procédé de clivage et de marquage est aussi réalisés comme indiqué précédemment.

Cible	Bases appelées (%)	Intensité moyenne (Rfu)	Intensité médiane (Rfu)
Transcrits 100% C-COCH ₃ , 20 eq Fluo-ONH ₂ + 20 eq glutaraldéhyde	94,2	6655	6200

10 Là aussi, nous observons un marquage très efficace. L'intensité du signal est supérieure à 6000 Rfu et le reséquençage est de 94%. Comme dans l'exemple précédent, ce résultat démontre que la réaction entre l'alcoxyamine et méthylcétone est spécifique et efficace 15 entre des séquences ARN contenant des fonctions méthylcétones et le marqueur fluorescent portant la fonction alcoxyamine.

**EXEMPLE VI : AVANTAGES DE LA FONCTION METHYLCETONE
20 PAR RAPPORT AUX FONCTIONS ALCOXYAMINES, ALDEHYDES, AMINES.**

1. Comparaison entre la fonction alcoxyamine et méthylcétone sur le nucléotide U.

25 L'uridine portant une chaîne alcoxyamine en position 5 est préparée selon la méthode décrite dans l'exemple 4 de la demande de brevet WO-A-98/05766. La synthèse du marqueur fluorescéine (FLUO-CHO) aldéhyde est décrite dans l'exemple 18 de la demande WO-A-98/05766.

Il est important de noter que la fonction alcoxyamine nécessite une protection permanente par le groupement tert-butoxycarbonyl (BOC). Cette fonction est déprotégée en même temps que l'isopropylidène en 2',3' 5 après phosphorylation en présence de 50% d'acide trifluoroacétique. Ce pourcentage en TFA est nécessaire pour obtenir un déprotection de l'alcoxyamine proche de 90%. Pour obtenir une déprotection totale, des solutions acides plus concentrées sont nécessaires. Dans ces 10 solutions le triphosphate se dégrade très rapidement en diphosphate et monophosphate.

Dans le cas de la fonction méthylcétone, aucune déprotection n'est nécessaire et seulement 25% en TFA sont utilisés pour la déprotection totale de l'isopropylidène 15 en 2',3' après phosphorylation. Avec ce pourcentage en TFA, aucune dégradation n'est observée.

La chaîne méthylcétone est suffisamment hydrophobe même après déprotection, elle contribue ainsi à une bonne séparation du nucléotide triphosphate lors de sa 20 purification par CLHP en phase inverse. Cette séparation est plus difficile dans le cas de la chaîne alcoxyamine.

25 Incorporation et post-marquage de l'UTP-alcoxyamine

Les réactions de transcription, d'hydrolyse enzymatique des transcrits, d'analyse CLHP et de post-marquage sont réalisées dans les mêmes conditions que celles décrites dans l'exemple IV.

30 La figure montre les rendements de transcription mesurés par la quantité d'amplicons produits

(en ordonnée en copies/microlitres) en fonction des 3 nucléotides utilisés.

Dans cet exemple, l'incorporation des deux 5 nucléotides, alcoxyamine (U-ONH₂) et méthylcétone (U-COCH, composé 1), est étudiée.

L'uridine méthylcétone 1 à 100% n'a aucun effet sur le rendement de transcription. Ce rendement est plus faible lors de l'incorporation du même nucléotide portant 10 la fonction alcoxyamine.

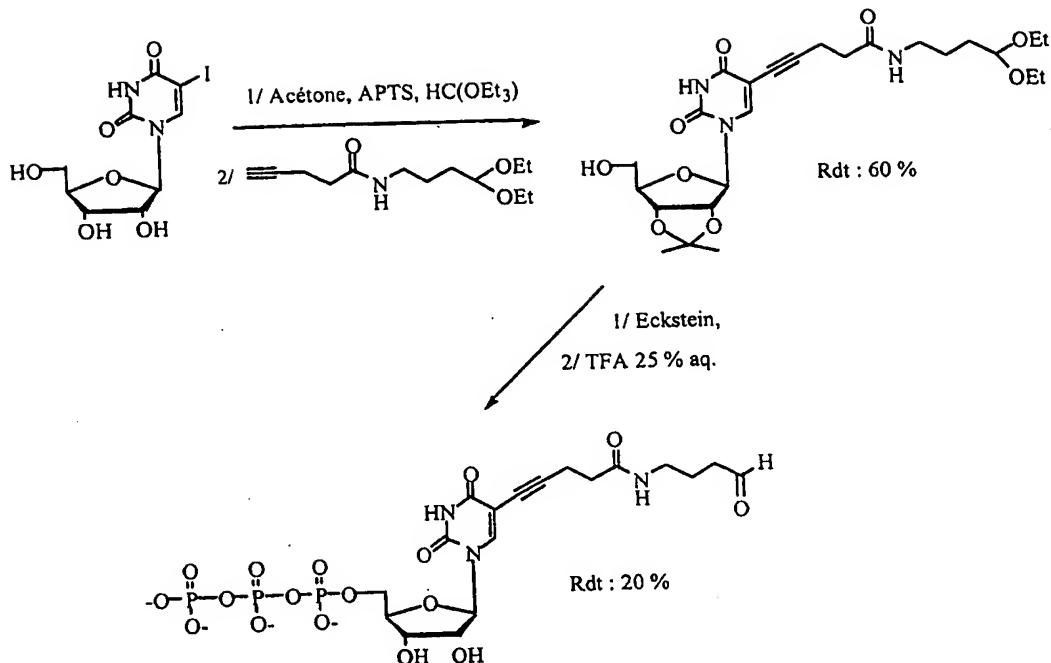
Post-marquage :

CIBLE MTB	Bases appelées (%)	Intensité moyenne (Rfu)	Intensité médiane (Rfu)
TRANSCRITS 100% DE U-ONH ₂ + 10EQ FLUO-CHO	91,6	5735	5335

Le pourcentage du reséquençage en utilisant 15 l'uridine-alcoxyamine est plus faible que celui obtenu avec son homologue portant la fonction méthylcétone.

2. Comparaison entre la fonction aldéhyde et méthylcétone sur le nucléotide U.

20 L'uridine à chaîne aldéhyde (U-CHO) est préparée selon le schéma suivant :



La chaîne est synthétisée par couplage peptidique entre le 4-aminobutyraldéhyde-diéthylacétal et l'acide 4-pentyloïque. Le couplage de Heck conduit au nucléoside protégé. La phosphorylation suivie d'une déprotection en milieu acide conduit bien au nucléotide attendu. Les produits ont été caractérisés par RMN ^1H et RMN du ^{13}C .

Là encore, la protection de la fonction aldéhydique est nécessaire lors des étapes de couplage et de phosphorylation. La déprotection de l'aldéhyde est réalisée en même temps que celle de l'isopropylidène (25% de TFA), cependant la purification et dessalage du produit déprotégé est plus difficile par rapport à celle du nucléotide méthylcétone (U-COCH₃, composé 1). Le rendement de l'étape de phosphorylation est de 20%.

L'analyse CLHP des transcrits contenant l'UTP-aldéhyde, hydrolysés par la technique enzymatique décrite dans l'exemple IV, montre que le nucléotide aldéhyde est

transformé. Cette transformation est certainement due à des interactions de la fonction aldéhyde avec des composants des tampons lors de la transcription ou de d'hydrolyse enzymatique des transcrits.

5 La réaction du post-marquage, utilisant la fluorescéine-alcoxyamine, ne montre aucun résultat après analyse sur gel et sur puce à ADN des transcrits de mycobacterium. Ceci montre que la transformation de l'aldéhyde est survenue lors de l'étape de transcription 10 ce qui montre l'intérêt de la fonction méthylcétone par rapport à l'aldéhyde.

3. Comparaison entre la fonction amine et méthylcétone sur le nucléotide U.

15 L'uridine portant une chaîne amine en position 5 (U-NH₂) est préparée selon la méthode décrite dans l'exemple 3 de la demande de brevet WO 98/05766. La protection de la fonction amine par le groupement Boc est dans ce cas aussi nécessaire.

20 Les rendements de transcription obtenus avec 100% de U-NH₂ sont beaucoup plus faibles que dans le cas de l'utilisation de la fonction méthylcétone et ne permettent pas un reséquençage efficace sur la puce à ADN aussi bien dans le cas de Mtb que dans le cas de HIV.

25 4. Comparaison entre la fonction amine et méthylcétone sur le nucléotide C.

La cytidine portant une chaîne amine en position 4 (C-NH₂) est préparée selon l'exemple 16 de la demande de 30 brevet WO-A-98/05766.

Ce nucléotide a été incorporé dans des fragments de l'ARN 16S de *Mycobacterium tuberculosis* par des

réactions de transcription réalisées à partir de cible PCR selon le protocole décrit dans l'exemple IV.

L'analyse CLHP des transcrits contenant la C-NH₂, hydrolysés par la technique enzymatique décrite dans l'exemple précédent, montre que le nucléotide aminé est bien incorporé et est intact.

Les rendements de transcription avec différents pourcentages de C-NH₂, aussi déterminés comme indiqué dans l'exemple IV, sont donnés dans le tableau ci-dessous.

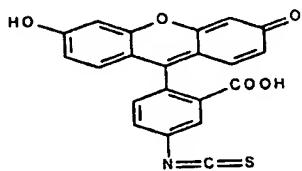
10

Rapport entre nucléotide fonctionnalisé C-NH ₂ et nucléotide naturel (%)	Transcrits produits (copies / microlitres)
0	3,48 ^{E+13}
70	1,94 ^{E+13}
100	1,51 ^{E+12}

Il est important de noter qu'avec 100% de C-NH₂, la quantité d'amplicons obtenus est 20 fois inférieure à celle obtenue avec une transcription contenant 100% de nucléotide naturel.

15 Dans la réaction de post-marquage nous avons utilisé comme réactif de marquage l'isothiocyanate de fluorescéine obtenu de chez Sigma-Aldrich (St Quentin Falavier, France).

20



Fluorescéine-isothiocyanate (FITC)

Le marquage des transcrits obtenus par incorporation de la C-NH₂, ont été marqués par la FITC, hybridés sur la puce à ADN destinée à l'identification de ces cibles Mtb et les signaux sont analysés selon le 5 protocole décrit précédemment. Les résultats obtenus avec et sans agent bloquant sont donnés dans le tableau ci-dessus.

Cible	Bases appelées (%)	Intensité moyenne (Rfu)
Transcrits non purifiés + 100eq FITC	ND	ND
Transcrits non purifiés + 100eq FITC +1000eq de diamine bloquant	86	346

10 ND : non déterminé, la surface de la puce est complètement saturée.

Diamine bloquant : H₂N-CH₂-CH₂-O-CH₂-CH₂-O-CH₂-CH₂-NH₂.

15 Sans addition de chaîne diamine après le marquage, la surface de la puce est complètement saturée par les 100eq de marqueur et les signaux sont inexploitables. Cette saturation est certainement due à l'interaction de la fonction isothiocyanate avec les fonction amines 20 exocycliques des bases.

L'addition post-marquage de 1000eq de diamine, ayant la même structure que celle porté par la cytidine, semble confirmer cette hypothèse car la surface de la puce n'est plus saturée et 86% de reséquençage sont obtenus. 25 L'intensité du signal est faible par rapport à celle obtenue avec des transcrits contenant la méthylcétone et marqués à la fluorescéine-alcoxyamine.

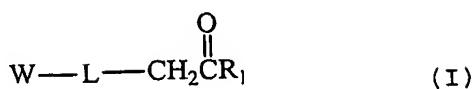
En plus de son effet inhibiteur lors de la transcription, le pourcentage du reséquençage utilisant le C-NH₂ est plus faible que celui obtenu avec son homologue portant la fonction méthylcétone (C-COCH₃, composé 3).

REVENDICATIONS

1/ Composé fonctionnalisé de formule générale

(I) :

5



dans laquelle

W représente un analogue nucléotidique,

L représente un bras de liaison comportant au
10 moins quatre atomes,

R₁ représente une chaîne alkyle, linéaire ou
ramifiée.

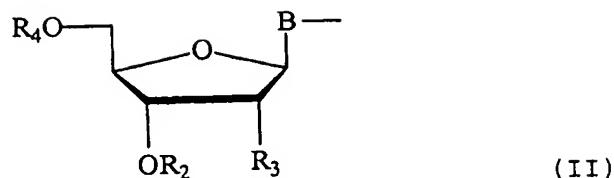
2/ Composé selon la revendication 1, caractérisé
en ce que R₁ représente une chaîne alkyle ayant au plus 6
15 atomes de carbones.

3/ Composé selon la revendication 2, caractérisé
en ce que R₁ représente le groupe méthyle.

4/ Composé selon l'une quelconque des
revendications 1 à 3, caractérisé en ce que L comporte au
20 moins huit atomes.

5/ Composé selon l'une quelconque des
revendications 1 à 4, caractérisé en ce que L est une
chaîne hydrocarbonée, saturée ou insaturée, éventuellement
interrompue par au moins une fonction choisie parmi les
25 fonctions amine, amide et oxy.

6/ Composé selon l'une quelconque des
revendications 1 à 5, caractérisé en ce que W répond à la
formule générale (II)



dans laquelle :

- R_2 représente H ou un groupement protecteur,
- R_3 représente H, F, OH, SH, NH₂, OCH₃ ou OR₅ où R₅ 5 représente un groupement protecteur ou une chaîne alkyle,
- R₄ représente un radical H, un groupement protecteur ou un groupement mono, di ou triphosphate,
- W étant lié à L par l'intermédiaire de B.

7/ Composé selon la revendication 6, caractérisé en ce que la base azotée est la cytosine, l'uracile ou 10 l'adénine.

8/ Composé selon les revendications 6 et 7, caractérisé en ce que R₂ est un H, R₃ est un groupement OH et R₄ est un groupement triphosphate.

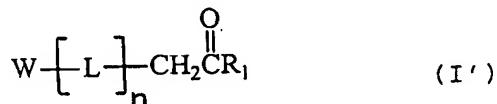
9/ Composé selon les revendications 6 et 7, caractérisé en ce que R₂ est un groupement 2-cyanoéthyl- 15 N,N-diisopropylphosphoramidite et R₃ est H ou OR₅ où R₅ est un groupement protecteur utilisé en synthèse d'oligoribonucléotide, et R₄ est un groupement 4,4'- 20 diméthoxytrityle.

10/ Polynucléotide fonctionnalisé comprenant au moins un composé fonctionnalisé selon l'une quelconque des revendications précédentes.

11/ Polynucléotide fonctionnalisé selon la 25 revendication 10, caractérisé en ce que ce polynucléotide est préparé par voie chimique et/ou enzymatique.

12/ Polynucléotide fonctionnalisé selon la revendication 11, caractérisé en ce que ce polynucléotide est préparé par une réaction d'amplification enzymatique.

13/ Polynucléotide fonctionnalisé marqué 5 caractérisé en ce qu'il comprend au moins un composé fonctionnalisé de formule générale (I') :



dans laquelle

10 W représente un analogue nucléotidique,

L représente un bras de liaison comportant au moins quatre atomes,

n représente un indice égal à 0 ou 1,

15 R₁ représente une chaîne alkyle, linéaire ou ramifiée,

le groupement alkylcétone dudit composé fonctionnalisé ayant interagi avec un réactif de marquage.

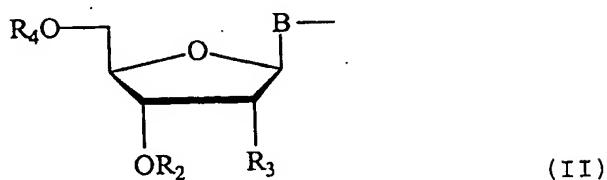
14/ Polynucléotide selon la revendication 13, caractérisé en ce que R₁ représente une chaîne alkyle ayant 20 au plus 6 atomes de carbone.

15/ Polynucléotide selon la revendication 14, caractérisé en ce que R₁ représente le groupe méthyle.

16/ Polynucléotide selon l'une quelconque des revendications 13 à 15, caractérisé en ce que L comporte 25 au moins huit atomes.

17/ Polynucléotide selon l'une quelconque des revendications 13 à 16, caractérisé en ce que L est une chaîne hydrocarbonée, saturée ou insaturée, éventuellement interrompue par au moins une fonction choisie parmi les 30 fonctions amine, amide et oxy.

18/ Polynucléotide selon l'une quelconque des revendications 13 à 17, caractérisé en ce que W répond à la formule générale (II)



5

dans laquelle :

- R₂ représente H ou un groupement protecteur,
- 10 - R₃ représente H, F, OH, SH, NH₂, OCH₃ ou OR₅ où R₅ représente un groupement protecteur ou une chaîne alkyle,
- R₄ représente un radical H, un groupement protecteur ou un groupement mono, di ou triphosphate,
- W étant lié à L par l'intermédiaire de B.

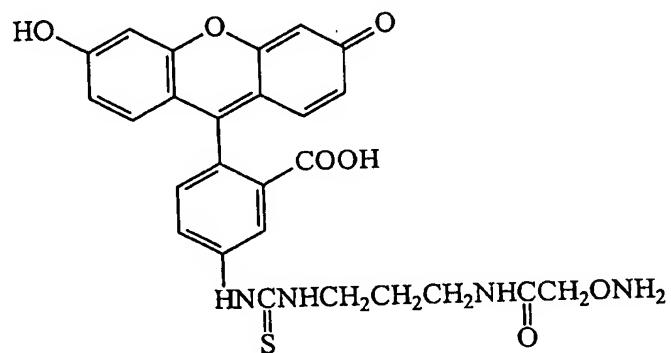
15 19/ Polynucléotide selon la revendication 18, caractérisé en ce que la base azotée est la cytosine, l'uracile ou l'adénine.

20/ Polynucléotide selon les revendications 18 et 19, caractérisé en ce que R₂ est un H, R₃ est un groupement OH et R₄ est un groupement triphosphate.

21/ Composé selon la revendication 18 et 19, caractérisé en ce que R₂ est un groupement 2-cyanoéthyl-N,N-diisopropylphosphoramidite et R₃ est H ou OR₅ où R₅ est un groupement protecteur utilisé en synthèse d'oligoribonucléotide, et R₄ est un groupement 4,4'-diméthoxytrityle.

22/ Polynucléotide selon l'une quelconque des revendications 13 à 21, caractérisé en ce que le réactif de marquage comporte une fonction hydrazine ou alcoxyamine.

23/ Polynucléotide selon la revendication 22, caractérisé en ce que le réactif de marquage est



24/ Procédé de détection d'un acide nucléique cible, caractérisé en ce que l'on met en contact cet acide nucléique cible avec au moins un nucléotide fonctionnalisé tel que défini dans l'une quelconque des revendications 13 à 21, en présence des éléments et dans des conditions nécessaires à l'obtention d'un polynucléotide, pour 10 obtenir un polynucléotide fonctionnalisé ; on marque le polynucléotide obtenu avec un réactif de marquage ; puis 15 on détecte ledit polynucléotide marqué.

25/ Procédé selon la revendication 24, caractérisé en ce que le polynucléotide fonctionnalisé est obtenu par 20 une réaction d'amplification enzymatique.

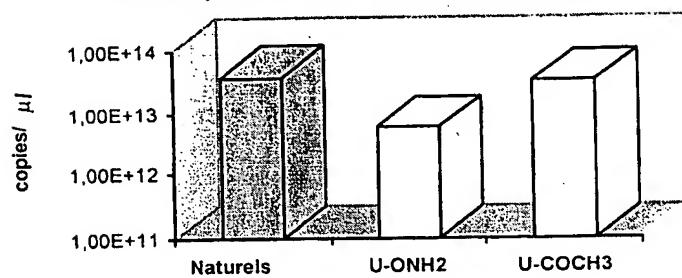
26/ Procédé de détection d'un acide nucléique cible, caractérisé en ce que l'on met en contact cet acide nucléique cible avec un polynucléotide fonctionnalisé selon l'une quelconque des revendications 10 à 12 ; on

fait réagir le réactif de marquage ; et on détecte la présence de l'acide nucléique cible.

27/ Procédé de détection d'un acide nucléique cible, caractérisé en ce que l'on dispose d'un polynucléotide marqué selon l'une quelconque des revendications 13 à 23 ; on met en contact cet acide nucléique cible avec le polynucléotide marqué ; et on détecte la présence de l'acide nucléique cible.

FIGURE

Transcripts naturels + U modifiés 100 %



**This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning
Operations and is not part of the Official Record**

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:

- BLACK BORDERS**
- IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES**
- FADED TEXT OR DRAWING**
- BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING**
- SKEWED/SLANTED IMAGES**
- COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS**
- GRAY SCALE DOCUMENTS**
- LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT**
- REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY**
- OTHER:** _____

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.